

พื้นฐานการเกิดโรคระดับโมเลกุลของปีศาจลัสซีเมียที่จังหวัดนราธิวาส

อับดุลเลาะ ทะมะ *

Received: July 10, 2014

Revised & Accepted: August 10, 2014

บทคัดย่อ

เพื่อเป็นการเตรียมข้อมูลที่มีประโยชน์สำหรับการวางแผนงานการควบคุมและป้องกันโรคปีศาจลัสซีเมียในจังหวัดนราธิวาส จึงได้ศึกษาและรวบรวมข้อมูลย้อนหลัง พื้นฐานการเกิดโรคปีศาจลัสซีเมียในระดับโมเลกุล ศึกษาจากตัวอย่างจำนวน 6,341 รายที่ได้รับการตรวจธาลัสซีเมียที่กลุ่มงานเทคนิคการแพทย์ โรงพยาบาลนราธิวาสราชนครินทร์ ระหว่างเดือนมิถุนายน 2553 ถึงเดือนมิถุนายน 2557 รวมระยะเวลา 4 ปี ตรวจพบฮีโมโกลบินอี จำนวน 1,499 ตัวอย่าง (ร้อยละ 23.6) และตรวจพบเป็นปีศาจลัสซีเมียจำนวน 177 ราย (ร้อยละ 2.8) ทั้ง 177 รายได้รับการตรวจวิเคราะห์ดีเอ็นเอเพื่อหาชนิดการกลายพันธุ์ที่ทำให้เกิดธาลัสซีเมียที่คณะเทคนิคการแพทย์ มหาวิทยาลัยขอนแก่น ตรวจพบการกลายพันธุ์รวมทั้งสิ้น 14 ชนิดที่มีความถี่ของการตรวจพบแตกต่างกัน ได้แก่ IVSI#5 G-C 77 ราย (ร้อยละ 43.5), codons 41/42 (-TTCT) 30 ราย (ร้อยละ 16.9), codon19 (Hb Malay) 18 ราย (ร้อยละ 10.1), codon17 (A-T) 15 ราย (ร้อยละ 8.4), -28 A-G 10 ราย (ร้อยละ 5.6), IVSI#1 G-T 8 ราย (ร้อยละ 4.5), IVSII#654 C-T 4 ราย (ร้อยละ 2.2), ชนิด codon 41 (-C) และ 3.4 kb deletion อย่างละ 3 ราย (ร้อยละ 1.6) และ codons 71/72 (+A) 1 ราย (ร้อยละ 0.6) นอกจากนี้ ตรวจพบ DNA deletion ที่ทำให้เกิดภาวะฮีโมโกลบินเอฟสูง ได้แก่ $\delta\beta^0$ -thalassemia 3 ราย (ร้อยละ 1.6), 45 kb Filipino deletion และ 79.2 kb del HPFH-6 จำนวนอย่างละ 2 ราย (ร้อยละ 1.1) และภาวะ $(\gamma\delta\beta)^0$ -thalassemia 1 ราย (ร้อยละ 0.6) ข้อมูลเหล่านี้เป็นข้อมูลที่มีการรวบรวมขึ้นเป็นครั้งแรกสำหรับจังหวัดนราธิวาส ซึ่งจะมีประโยชน์อย่างมากต่อการดำเนินงานเพื่อการควบคุมและป้องกันโรคธาลัสซีเมียในพื้นที่

คำสำคัญ: ปีศาจลัสซีเมีย, พื้นฐานการเกิดโรคระดับโมเลกุล, การตรวจวินิจฉัยยืนยันปีศาจลัสซีเมีย, นราธิวาส



Molecular basis of beta thalassemia in Narathiwat province

Abdulloh Hama *

Abstract

In order to provide useful data for a prevention and control program of β -thalassemia in Narathiwat province, the molecular basis of β -thalassemia was investigated. Study was done on 6,341 subjects encountered at the Medical Laboratory section of Narathiwat Rajanagarindra hospital, Narathiwat province for a period of 4 years during June 2010 – June 2014. From these, hemoglobin (Hb) E was detected in 1,499 subjects (23.6 %) and 177 cases (2.8 %) were found to carry β -thalassemia genes. The molecular basis for β -thalassemia in these cases was further examined by DNA analysis at the Faculty of Associated Medical Sciences, Khon Kaen University. Altogether, 14 different mutations were observed including IVS1#5 G-C (n = 77; 43.5%), codons 41/42 (-TTCT) (n = 30; 16.9%), codon 19 (Hb Malay) (n = 18; 10.1%), codon 17 A-T (n = 15; 8.4%), -28 A-G (n = 10; 5.6%), IVS1#1 G-T (n = 8; 4.5%), IVS2#654 C-T (n = 4; 2.2%), codon 41 (-C) (n = 3; 1.6%), 3.4 kb deletion (n = 3; 1.6%) and codons 71/72 (+A)(n = 1; 0.6%). In addition, DNA deletions causing high Hb F determinants including 12.5 kb deletion $\delta\beta^0$ -thalassemia (n = 3; 1.6%), 45 kb Filipino deletion (n = 2; 1.1%) and 79.2 kb deletion HPFH-6 (n = 2; 1.1%) and ($^A\gamma\delta\beta$)⁰-thalassemia (n = 1; 0.6%). All these results obtained for the first time at Narathiwat province should prove useful in a prevention and control program of thalassemia in the area.

Keywords: β -thalassemia, Molecular basis, DNA analysis for β -thalassemia, Narathiwat

Medical Laboratory Section, Narathiwat Rajanagarindra Hospital, Narathiwat province

* Corresponding author: (e-mail: abdulloh_hama@hotmail.com)

บทนำ

ธาลัสซีเมียเป็นโรคโลหิตจางกรรมพันธุ์ที่เกิดจากความผิดปกติของยีนสร้างฮีโมโกลบินและเป็นปัญหาสาธารณสุขที่สำคัญของประเทศไทยและอีกหลายประเทศ โดยเฉพาะในเอเชียตะวันออกเฉียงใต้ เนื่องจากมีผู้ป่วยและผู้ที่เป็นพาหะแฝงเป็นจำนวนมาก โดยมีตัวเลขเฉลี่ยสถิติคนไทยเป็นพาหะ α - thalassemia ร้อยละ 20-30, พาหะ β -thalassemia ร้อยละ 3-9, พาหะฮีโมโกลบินอีเฉลี่ยประมาณร้อยละ 30 และยังมีฮีโมโกลบินผิดปกติชนิดอื่นที่จัดเป็นธาลัสซีเมียด้วยเช่น Hb Constant Spring และ Hb Pakse' อีกประมาณร้อยละ 4 ของประชากร ไม่นับรวมถึงฮีโมโกลบินผิดปกติที่มีความหลากหลายมาก โดยมีผู้ป่วยที่เป็นโรครวมประมาณร้อยละ 1 ของประชากร ประเทศไทยจึงได้ดำเนินการเพื่อการควบคุมและป้องกันโรคธาลัสซีเมียอย่างเป็นระบบขึ้น^(1,2) ข้อมูลสำคัญที่ส่งผลถึงความสำเร็จในการดำเนินงานโครงการคือข้อมูลความผิดปกติในระดับโมเลกุลที่ทำให้เกิดโรคธาลัสซีเมียชนิดต่างๆ เนื่องจากเป็นข้อมูลพื้นฐานสำหรับการตรวจวินิจฉัยยีนที่เกี่ยวข้องเมื่อต้องทำการตรวจวินิจฉัยพาหะและทารกในครรภ์^(3,4) สำหรับบีตาธาลัสซีเมียซึ่งเกิดจากการกลายพันธุ์ของยีนบีตาโกลบินเกิดจากการกลายพันธุ์ได้หลายชนิด มีรายงานมากกว่า 200 ชนิดทั่วโลก อย่างไรก็ตามในแต่ละกลุ่มประชากรจะตรวจพบชุดการกลายพันธุ์จำเพาะจำนวนหนึ่งเท่านั้น โดยในคนไทยมีรายงานตรวจพบประมาณ 20 ชนิด แยกตามภูมิภาคต่างๆ เช่นที่ภาคอีสานพบ 18-20 ชนิด⁽⁵⁾ ที่ภาคใต้มีรายงานการศึกษาในปี 1992 ตรวจพบ 9 ชนิด⁽⁶⁾ ซึ่งน้อยกว่าความเป็นจริง เป็นต้น ทั้งนี้ในแต่ละพื้นที่จะมีเพียง 5-6 ชนิดเท่านั้นที่พบได้บ่อยและเป็นเป้าหมายของการดำเนินงาน ซึ่งจะครอบคลุมมากกว่าร้อยละ 90 ของยีนที่ตรวจพบทั้งหมด เนื่องจากการกลายพันธุ์แต่ละชนิดอาจแสดงลักษณะฟีโนไทป์และความรุนแรงของโรคในผู้ป่วยแตกต่างกัน ในปัจจุบันการตรวจให้ทราบชนิดของการกลายพันธุ์จึงเป็นความจำเป็นที่จะช่วยให้แพทย์สามารถให้การดูแลรักษา ให้คำปรึกษาแนะนำทางพันธุกรรมตลอดจนวางแผนการวินิจฉัยทารกในครรภ์ แก่ผู้ป่วยได้ดียิ่งขึ้น ในรายงานนี้ได้รวบรวมชนิดของการกลายพันธุ์ของยีนบีตาโกลบินที่ทำให้เกิด β -thalassemia และความผิดปกติอื่นที่เกี่ยวข้องที่ตรวจพบทั้งหมดตลอดระยะเวลา 4 ปีของการดำเนินงานที่โรงพยาบาลนราธิวาสราชนครินทร์ จ.นราธิวาส ระหว่างปี พ.ศ. 2553-2557 ได้ข้อมูลความหลากหลายของยีนที่ตรวจ

พบมากกว่าที่เคยมีรายงานมาแล้วในประชากรทั่วไปในภาคใต้

วัสดุและวิธีการศึกษา

ศึกษาในตัวอย่างเลือดจำนวน 6,341 ตัวอย่าง ที่ได้รับการตรวจวิเคราะห์ฮีโมโกลบินที่กลุ่มงานเทคนิคการแพทย์ โรงพยาบาลนราธิวาสราชนครินทร์ จังหวัดนราธิวาส ระหว่างเดือนมิถุนายน 2553 ถึงเดือนมิถุนายน 2557 เป็นตัวอย่างที่มาจากหลายแหล่งด้วยกัน ประกอบด้วย 1) ตัวอย่างเลือดจากแผนกฝากครรภ์ ซึ่งได้รับการตรวจคัดกรองธาลัสซีเมียด้วยการตรวจ CBC, osmotic fragility (OF) test และ DCIP test⁽⁷⁻⁹⁾ แล้วให้ผลเป็นบวก 2) ตัวอย่างจากผู้ป่วยทั่วไปที่มีผล CBC ผิดปกติและแพทย์ได้ส่งตรวจ Hb typing 3) ตัวอย่างเลือดจากคนทั่วไป ที่แพทย์ต้องการทราบผล Hb typing 4) ตัวอย่างเลือดที่โรงพยาบาลชุมชนในเขตจังหวัดนราธิวาส ส่งมาตรวจ Hb typing และ 5) ตัวอย่างเลือดจากผู้ป่วย β -thalassemia ที่เข้ารับการรักษาที่โรงพยาบาลนราธิวาสราชนครินทร์ ตัวอย่างเลือดทั้งหมดถูกตรวจ Hb typing ด้วยวิธี LPLC จากเครื่อง Hb Gold (Hb Gold, UK) ตามวิธีการที่กำหนดจากบริษัทผู้ผลิต คัดเลือกตัวอย่างที่มีผลบ่งบอกว่าอาจเป็น β -thalassemia⁽¹⁰⁾ ได้แก่ มีผลตรวจเป็น A_2A , $A_2 \geq 4.0\%$, ผลตรวจเป็น EF หรือ FF หรือ มีผลตรวจเป็น A_2A , $A_2 > 3.5\%$ และมีผล OF test ให้ผลบวก ส่งไปตรวจวิเคราะห์ดีเอ็นเอเพื่อตรวจหาการกลายพันธุ์ที่คณะเทคนิคการแพทย์ มหาวิทยาลัยขอนแก่น^(4,11)

ผลการศึกษา

จากจำนวนตัวอย่างที่ได้รับการส่งตรวจวิเคราะห์ชนิดของฮีโมโกลบินที่โรงพยาบาลนราธิวาสราชนครินทร์ ระหว่างเดือนมิถุนายน 2553 ถึงเดือนมิถุนายน 2557 รวมระยะเวลา 4 ปี จำนวนทั้งสิ้น 6,341 ตัวอย่าง ตรวจพบฮีโมโกลบินอี จำนวน 1,499 ตัวอย่าง (ร้อยละ 23.6) และตรวจพบตัวอย่างที่เข้าข่ายเป็นบีตาธาลัสซีเมียจำนวน 177 ราย (ร้อยละ 2.8) ทั้ง 177 รายได้รับการตรวจวิเคราะห์ดีเอ็นเอเพื่อหาชนิดการกลายพันธุ์ที่ทำให้เกิดธาลัสซีเมียที่คณะเทคนิคการแพทย์ มหาวิทยาลัยขอนแก่น ตรวจพบการกลายพันธุ์รวมทั้งสิ้น 14 ชนิด มีทั้ง β^0 - และ β^+ -thalassemia รวมทั้งความผิดปกติที่ทำให้มี Hb F สูง (high Hb F determinant) แต่ละชนิดมีความถี่ของการตรวจพบแตกต่างกัน ได้แก่ IVS1#5 G-C 77 ราย (ร้อยละ 43.5), codons 41/42 (-TTCT) 30

ราย (ร้อยละ 16.9), codon 19 (Hb Malay) 18 ราย (ร้อยละ 10.1), codon 17 (A-T) 15 ราย (ร้อยละ 8.4), -28 A-G 10 ราย (ร้อยละ 5.6), IVSI#1 G-T 8 ราย (ร้อยละ 4.5), IVSII#654 C-T 4 ราย (ร้อยละ 2.2), ชนิด codon 41 (-C) และ 3.4 kb deletion อย่างละ 3 ราย (ร้อยละ 1.6) และ codons 71/72 (+A) 1 ราย (ร้อยละ 0.6) นอกจากนี้ ตรวจพบ DNA deletion ที่ทำให้เกิดภาวะฮีโมโกลบินเอฟ

สูง ได้แก่ $\delta\beta^0$ -thalassemia 3 ราย (ร้อยละ 1.6), 45 kb Filipino deletion และ 79.2 kb del HPFH-6 จำนวนอย่างละ 2 ราย (ร้อยละ 1.1) และภาวะ $(\gamma\delta\beta)^0$ -thalassemia 1 ราย (ร้อยละ 0.6) แสดงให้เห็นถึงความหลากหลายของยีนบีตาธาลัสซีเมียในประชากรจังหวัดนราธิวาส ดังแสดงใน **ตารางที่ 1**

ตารางที่ 1 ชนิดและความถี่ของการกลายพันธุ์ที่ตรวจพบที่โรงพยาบาลนราธิวาสราชนครินทร์ ตรวจพบทั้งชนิด β^0 - และ β^+ -thalassemia (+) รวมทั้ง deletion ที่ทำให้เกิดลักษณะ high Hb F ในผู้ใหญ่

Mutation	Type	No.	%
Non deletion			
IVS I # 5 (G-C)	0	77	43.5
codons 41/42 (-TTCT)	0	30	16.9
codon19 (Hb Malay)	+	18	10.6
codon17 (A-T)	0	15	8.4
- 28 (A-G)	+	10	5.6
IVS I # 1 (G-T)	0	8	4.5
IVS II # 654 (C-T)	0	4	2.2
codon 41 (-C)	0	3	1.6
codons 71/72 (+A)	0	1	0.6
Deletion			
3.4 kb del β^0 -thalassemia	0	3	1.6
12.5 kb del $\delta\beta^0$ -thalassemia	high Hb F	3	1.6
45 kb del β^0 -thalassemia	0	2	1.1
79.2 kb del HPFH	high Hb F	2	1.1
$\gamma(\gamma\delta\beta)^0$ -thal	high Hb F	1	0.6
รวม		177	100

วิจารณ์และสรุปผลการศึกษา

ข้อมูลที่ได้จากการศึกษาจากตัวอย่างเลือดจำนวน 6,341 รายที่เข้ารับการตรวจระหว่างเดือนมิถุนายน 2553 ถึงเดือนมิถุนายน 2557 รวมระยะเวลา 4 ปี ที่กลุ่มงานเทคนิคการแพทย์ โรงพยาบาลนราธิวาสราชนครินทร์ จังหวัดนราธิวาส ซึ่งส่วนใหญ่เป็นคนมุสลิมในจังหวัดนราธิวาส ตรวจพบ Hb E

จำนวน 1,499 ตัวอย่าง คิดเป็นร้อยละ 23.6 และตรวจพบ β -thalassemia จำนวน 177 ราย คิดเป็นร้อยละ 2.8 แสดงให้เห็นว่า สามารถตรวจพบ Hb E ได้ในประชากรจังหวัดนราธิวาสในสัดส่วนที่สูงพอสมควรและคล้ายกับที่เคยมีรายงานจากการศึกษาที่จังหวัดอื่นๆในภาคใต้ของประเทศไทย เช่น นครศรีธรรมราช สุราษฎร์ธานี และ ยะลา ⁽¹²⁻¹⁴⁾ แต่มี

ความชุกต่ำกว่าที่มีรายงานตรวจพบในประชากรภาคอีสานที่ตรวจพบได้ประมาณร้อยละ 40-50⁽¹⁵⁻¹⁸⁾ การตรวจพบ β -thalassemia ถึงร้อยละ 2.8 ซึ่งสูงกว่าที่มีรายงานในประชากรอีสานทั่วไปที่พบ β -thalassemia น้อยกว่าร้อยละ 1⁽¹⁹⁾ แสดงให้เห็นว่า โอกาสตรวจพบผู้ป่วยโรค Hb E- β -thalassemia ซึ่งจัดเป็นโรคธาลัสซีเมียชนิดรุนแรงชนิดหนึ่ง ในประชากรจังหวัดนครราชสีมาสูงกว่าที่ภาคอีสาน และจำเป็นต้องได้รับการดำเนินงานเพื่อการควบคุมและป้องกันโรคในพื้นที่

จากการตรวจหาการกลายพันธุ์ในผู้ที่ เป็น β -thalassemia จำนวน 177 คน ตรวจพบความผิดปกติทั้งชนิด non-deletion และ deletion รวม 14 ชนิด โดยพบทั้ง β^0 - และ β^+ -thalassemia แม้จะมีสัดส่วนของ β^+ -thalassemia น้อยกว่า แต่ก็พบได้ถึงร้อยละ 16.2 ของยีนธาลัสซีเมียทั้งหมด (แยกเป็น codon 19 (Hb Malay) ร้อยละ 10.6 และ -28 A-G ร้อยละ 5.6) ย่อมส่งผลกระทบต่อ การดำเนินงานตรวจในงานประจำวัน เนื่องจากเป็นที่ทราบกันดีว่า β^+ -thalassemia ก่อให้เกิดโรคที่มีอาการรุนแรงน้อย และไม่จำเป็นต้องให้การตรวจวินิจฉัยทารกในครรภ์มารดา ที่เสี่ยงต่อการเป็นโรค β^+ -thalassemia / Hb E หรือ homozygous β^+ -thalassemia^(4,20) จึงควรต้องพิจารณาให้การตรวจวิเคราะห์ดีเอ็นเอให้ทราบชนิดของการกลายพันธุ์ของยีน β -thalassemia ในผู้ที่ตรวจพบว่าเป็นพาหะ β -thalassemia ทุกรายเพื่อประเมินความเสี่ยงต่อการมีบุตรเป็นโรคชนิดรุนแรง เนื่องจากหากตรวจพบว่าเป็นชนิด β^+ -thalassemia ก็ไม่จำเป็นต้องส่งไปตรวจวินิจฉัยทารกในครรภ์ซึ่งมีความเสี่ยงต่อไป เพียงให้คำปรึกษาแนะนำทางพันธุกรรมเท่านั้น ซึ่งเป็นผลให้การดำเนินงานต้องปรับเปลี่ยนไปจากเดิมและควรต้องพิจารณาถึงแนวทางการดำเนินงานที่เหมาะสมในพื้นที่

เมื่อพิจารณาถึงชนิดของยีนที่ตรวจพบมากถึง 14 ชนิด ซึ่งมากกว่าที่เคยมีรายงานการตรวจพบในประชากรทั่วไปในภาคใต้ของไทยซึ่งรายงานไว้เพียง 9 ชนิด⁽²¹⁾ และมีรายงานเพียง 6 ชนิดในชาวไทยมุสลิมที่ได้จากการศึกษาในจำนวน 37 อัลลีล⁽²²⁾ แสดงให้เห็นถึงความหลากหลายของยีนธาลัสซีเมียในประชากรจังหวัดนครราชสีมาซึ่งส่วนใหญ่เป็นชาวไทยมุสลิมเช่นกัน ซึ่งข้อมูลการตรวจพบยีนธาลัสซีเมียทั้งชนิดที่พบบ่อยในคนจีน เช่น codons 41/42 (-TTCT), codon 17 (A-T) และ -28 A-G และชนิดที่พบบ่อยในคนมาเลย์ เช่น IVSI#5 G-C และ codon 19 (Hb Malay) แสดงให้เห็นถึงความสัมพันธ์อย่างใกล้ชิดกับคนจีนและคน

มาเลย์เซีย

นอกจากนี้ มีข้อมูลที่น่าสนใจคือการตรวจพบความผิดปกติที่เป็นชนิด deletion ซึ่งพบได้ไม่บ่อยนักในคนไทย เช่น ชนิด 45 kb Filipino deletion ซึ่งเมื่อพบร่วมกับ Hb E ทำให้เกิด Hb E- β -thalassemia ชนิดรุนแรงได้⁽²³⁾ รวมทั้งการตรวจพบ DNA deletion ที่ทำให้เกิดภาวะ high Hb F determinants ทั้งชนิด $\delta\beta^0$ -thalassemia, HPFH-6 และ $(\gamma\delta\beta)^0$ -thalassemia ที่เป็นผลให้ตรวจพบ Hb F สูงได้ในผู้ที่ เป็นพาหะและพบได้บ่อยในภาคใต้ของไทย⁽²⁴⁾ แสดงให้เห็นถึงความหลากหลายและซับซ้อนของยีนบีตาธาลัสซีเมียในประชากรและความสำคัญของการตรวจวิเคราะห์ดีเอ็นเอ เพื่อให้การวินิจฉัยที่ถูกต้อง ก่อนให้คำปรึกษาแนะนำทางพันธุกรรมอย่างเหมาะสมต่อไป ข้อมูลพื้นฐานการเกิดโรคระดับโมเลกุลของธาลัสซีเมียเหล่านี้นับเป็นข้อมูลที่มีการรวบรวมขึ้นเป็นครั้งแรกสำหรับจังหวัดนครราชสีมา ซึ่งเป็นข้อมูลที่มีประโยชน์อย่างยิ่งต่อการดำเนินงานเพื่อการควบคุมและป้องกันโรคธาลัสซีเมียในพื้นที่ภาคใต้ของประเทศไทยต่อไป

เอกสารอ้างอิง

1. Fucharoen S, Winichagoon P. Hemoglobinopathies in Southeast Asia. Hemoglobin 1987; 11: 65-88.
2. Fucharoen S, Winichagoon P. Thalassemia in South East Asia: problems and strategy for prevention and control. Southeast Asian J Trop Med Public Health 1992; 23: 647-655.
3. สุพรรณ พูเจริญ. ธาลัสซีเมียและฮีโมโกลบินผิดปกติในประเทศไทย: แนวทางการตรวจวินิจฉัยในระดับโมเลกุล. วารสารเทคนิคการแพทย์และกายภาพบำบัด 2554; 23: 1-6.
4. Yamsri S, Sanchaisuriya K, Fucharoen G, Sae-ung N, Ratanasiri T, Fucharoen S. Prevention of severe thalassemia in northeast Thailand: 16 years of experience at a single university center. Prenat Diagn 2010; 30: 540-6.
5. Yamsri S, Sanchaisuriya K, Fucharoen G, Sae-ung N, Fucharoen S. Genotype and phenotype characterizations in a large cohort of β -thalassemia heterozygote with different forms of α -thalassemia in northeast Thailand. Blood Cells Mol Dis 2011;

- 47: 120-4.
6. Laosombat V, Fucharoen S, Panich V, Fucharoen G, Wongchanchailert M, Sriroongrueng W, et al. The molecular basis of β -thalassemia in the south of Thailand. *Am J Hematol* 1992; 41: 194-8.
7. กุลนภา พู่เจริญ, สุพรรณ พู่เจริญ. การตรวจคัดกรอง ธาลัสซีเมียในประเทศไทย. *วารสารเทคนิคการแพทย์และกายภาพบำบัด* 2551; 20: 165-77.
8. Fucharoen G, Sanchaisuriya K, Sae-ung N, Dangwibul S, Fucharoen S. A simplified screening strategy for thalassaemia and haemoglobin E in rural communities of Southeast Asia. *Bulletin World Health Organ* 2004; 82: 364-72.
9. Sanchaisuriya K, Fucharoen S, Fucharoen G, Ratanasiri T, Sanchaisuriya P, Changtrakul Y, et al. A reliable screening protocol for thalassemia and hemoglobinopathies in pregnancy; an alternative approach to electronic blood cell counting. *Am J Clin Pathol* 2005; 123: 113-8.
10. กุลนภา พู่เจริญ. การแปลผลการตรวจวิเคราะห์ฮีโมโกลบินเพื่อการวินิจฉัยธาลัสซีเมียที่พบบ่อยในประเทศไทย. *วารสารเทคนิคการแพทย์และกายภาพบำบัด* 2552; 21: 212-25.
11. Yamsri S, Sanchaisuriya K, Fucharoen G, Sae-ung N, Fucharoen S. Genotype and phenotype characterizations in a large cohort of β -thalassemia heterozygote with different forms of α -thalassemia in northeast Thailand. *Blood Cells Mol Dis* 2011; 47: 120-4.
12. สัจจะ สุรพจน์, กุลนภา พู่เจริญ, วีระชัย สายจันทา, สนธยา ช้องเซ่ง, กนกวรรณ แสนไชยสุริยา, สุพรรณ พู่เจริญ. ฮีโมโกลบินอีร่วมกับอัลฟาธาลัสซีเมียที่โรงพยาบาลมหาวิทยาลัยศรีนครินทรวิโรฒราช. *วารสารเทคนิคการแพทย์และกายภาพบำบัด* 2552; 21: 31-39.
13. เจริญฤทธิ์ สัมฤทธิ์, ณัฐยา แซ่ฮึง, สุพรรณ พู่เจริญ. การคัดเลือกลูกเสี่ยงต่อการมีบุตรเป็นโรคฮีโมโกลบินบาร์ทสไฮดรอฟัสฟีทาเลีย: ประสบการณ์ 6 ปีที่โรงพยาบาลสุราษฎร์ธานี. *วารสารเทคนิคการแพทย์และกายภาพบำบัด* 2557; 26: 17-25.
14. รัชนี ทองอ่อน, ฐิษะห์ ยูน, กนกวรรณ แสนไชยสุริยา, ลักขณา เพียรย์, นาฏนิตดา แจ้สว่าง, กุลนภา พู่เจริญ, และคณะ. ธาลัสซีเมียและฮีโมโกลบินผิดปกติในหญิงตั้งครรภ์ที่มารับบริการฝากครรภ์ ณ โรงพยาบาลยะลา. *วารสารเทคนิคการแพทย์และกายภาพบำบัด* 2557; 26: 32-39.
15. กุลนภา พู่เจริญ, ณัฐยา แซ่ฮึง, กนกวรรณ แสนไชยสุริยา, สุพรรณ พู่เจริญ. ฮีโมโกลบินอีและธาลัสซีเมียในกลุ่มประชากรทั่วไปมหาวิทยาลัยขอนแก่น. *วารสารวิจัยมหาวิทยาลัยขอนแก่น* 2543; 5: 61-9.
16. สาคร วันทอง, กุลนภา พู่เจริญ, สุพรรณ พู่เจริญ. การตรวจคัดกรองเพื่อการควบคุมและป้องกันโรคเลือดจางธาลัสซีเมียชนิดรุนแรงที่โรงพยาบาลเมืองสรวง จังหวัดร้อยเอ็ด: ประสบการณ์ 6 ปี. *วารสารเทคนิคการแพทย์และกายภาพบำบัด* 2555; 24: 64-76.
17. ประชาธิป พลลาภ, จารุวรรณ ไตรทิพย์สมบัติ, ชลิดา วรสาร, ดำรง กุติวิภา, ยรรยง ไชยจันทร์, ภัทธะ แสนไชยสุริยา, และคณะ. ธาลัสซีเมียและภาวะขาดเหล็กในหญิงตั้งครรภ์ที่โรงพยาบาลเขาวง จังหวัดกาฬสินธุ์. *วารสารเทคนิคการแพทย์และกายภาพบำบัด* 2553; 22: 262-270.
18. พรทิภา สัจจาสังข์, กุลนภา พู่เจริญ, สุพรรณ พู่เจริญ, พิระพงษ์ ชาดิธรรมรักษ์, ดวงฤดี จังตระกูล, กนกวรรณ แสนไชยสุริยา. ประสิทธิภาพการตรวจคัดกรองธาลัสซีเมียพร้อมกับการใช้ตัวอย่างเลือดควบคุมคุณภาพภายในที่โรงพยาบาลเกษตรสมบูรณ์ จังหวัดชัยภูมิ. *วารสารเทคนิคการแพทย์และกายภาพบำบัด* 2554; 23: 34-45.
19. Tritipsombut J, Sanchaisuriya K, Phollarp P, Bouakhasith D, Sanchaisuriya P, Fucharoen G, et al. Micromapping of thalassemia and hemoglobinopathies in different regions of northeast Thailand and Vientiane, Lao PDR. *Hemoglobin* 2012; 36: 47-56.
20. Nuntakarn L, Fucharoen S, Fucharoen G, Sanchaisuriya K, Jetsrisuparb A, Wiangnon S. Molecular, hematological and clinical aspects of thalassemia major and thalassemia intermedia associated with Hb E- β -thalassemia in northeast Thailand. *Blood Cells Mol Dis* 2009; 42: 32-5.

21. Laosombat V, Fucharoen S, Panich V, Fucharoen G, Wongchanchailert M, Sriroongrueng W, et al. Molecular basis of beta thalassemia in the south of Thailand. *Am J Hematol* 1992; 41: 194-8.
22. Laosombat V, Nopparatana C, Wongchanchailert M, Wiriyasateinkul A. Molecular basis of beta-thalassemia in Thai Muslim patients in the the south of Thailand. *Southeast Asian J Trop Med Public Health* 1997; 28(Suppl 3): 104-5.
23. Yamsri S, Sanchaisuriya K, Fucharoen G, Fucharoen S. Genetic origin and interaction of the Filipino β^0 -thalassemia with Hb E and α -thalassemia in a Thai family. *Transl Res* 2012; 159: 473-6.
24. Panyasai S, Fucharoen S, Surapot S, Fucharoen G, Sanchaisuriya K. Molecular basis and hematologic characterization of $\delta\beta$ -thalassemia and hereditary persistence of fetal hemoglobin in Thailand. *Hematologica* 2004; 89: 777-81.