

บทความพิเศษ

Special Article

## กรรไกรโมเลกุล Molecular Scissors

มานพ พิทักษ์ภากร\* สมชัย บวรกิติ\*\*

Manop Pithukpakorn\* Somchai Bovornkitti\*\*

\*สาขาเวชพันธุศาสตร์ คณะแพทยศาสตร์ ศิริราชพยาบาล มหาวิทยาลัยมหิดล กรุงเทพฯ 10700

\*Division of Medical Genetics, Faculty of Medicine, Siriraj Hospital, Mahidol University, Bangkok 10700

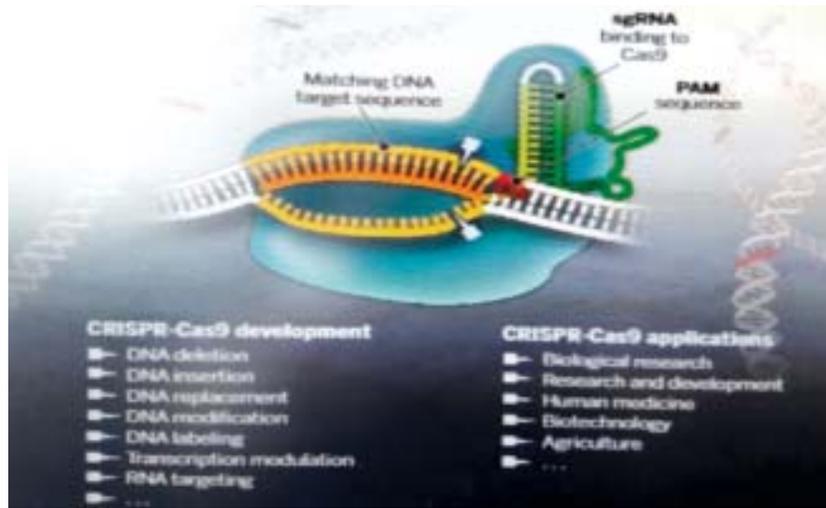
\*\*สำนักวิทยาศาสตร์ ราชบัณฑิตยสภา, กรุงเทพฯ 10300

\*\*The Academy of Science, The Royal Institute of Thailand, Bangkok 10300

Corresponding author. E-mail address:s\_bovornkitti@hotmail.com

CRISPRs เป็นอักษรย่อของ clustered regularly interspaced palindromic repeats คือเป็นกระจุกลำดับเบสซ้ำๆ จาก ๕' ไป ๓' ท่อนสั้นๆ ที่คั่นด้วยลำดับสั้นๆ ในสายดีเอ็นเอ (interspaced with short sequences in the genome) พบครั้งแรกในสายดีเอ็นเอของแบคทีเรีย *เอสเชอริเชีย โคลิ* โดยอิมิโนะ และคณะ เมื่อ พ.ศ. ๒๕๓๐<sup>(๑)</sup> (หมายเหตุ: ในรายงานไม่พบชื่อ CRISPR มีเพียงคำบรรยายลักษณะรูปแบบลำดับนิวคลีโอไทด์และตัวคั่นตรงกับ CRISPRs) หลังจากนั้นมีการศึกษาในจุลินทรีย์ชนิดต่างๆ จำนวนมาก และมีการศึกษาประสบความสำเร็จถึงขั้นเทคโนโลยีปรับแต่งสายดีเอ็นเอขนาดใหญ่ในมนุษย์ โดย Doudna และ Charpentier เสนอเทคนิคเรียงเรียงสายดีเอ็นเอที่เรียกว่า คริสเปอร์-คาสไนน์ เมื่อ พ.ศ. ๒๕๕๗<sup>(๒-๓)</sup>

CRISPR-Cas9 เป็นเทคนิคปรับแก้รูปแบบตัวแฉ่ง สนเทศพันธุกรรมของเซลล์ หรือสายดีเอ็นเอ เป็นความก้าวหน้าทางเทคโนโลยีการปรับแต่ง ควบคุม หรือกำหนดตำแหน่งจำเพาะที่ลำดับเบสคู่ของดีเอ็นเอ โดยอาศัยกรรไกรเอนไซม์ Cas9 จึงเป็นวิธีปรับแก้ดีเอ็นเอที่มีประสิทธิภาพสูงกว่าวิธีในสมัยก่อน โดยอาศัยการระบุลำดับดีเอ็นเอโอลิโกนิวคลีโอไทด์ที่เป็นอนุขนาดเล็ก หรือลำดับเบสที่ไม่ใช่รหัสในดีเอ็นเอ (อินทรอน) ที่ตำแหน่งตัดเชื่อมเองต่อจากนั้นก็วิธีใหม่ๆ เช่นการระบุโปรตีนของดีเอ็นเอคือเอนไซม์ ZFNs (zinc finger nucleases) และ TALENs (TAL effector nucleases) และล่าสุดคือเทคโนโลยีตัดแต่งโดยกรรไกรโมเลกุล (CRISPR-Cas9)



รูปที่ ๑ เอนไซม์ Cas9 (พื้นสีน้ำเงิน) ทำหน้าที่คล้ายกรรไกรอาศัยศูนย์ตัวเร่ง ๒ ตัว (ไบเมต) ไปตัดสายดีเอ็นเอขดคู่เป้าหมาย(สีทอง) หน้าต่อลำดับ PAM (สีแดง) และจับเข้ากับ ๒๐ ลำดับนิวคลีโอไทด์ (ส้ม) ของอาร์เอ็นเอตัวนำเดี่ยว (sgRNA) อาร์เอ็นเอตัวนำเดี่ยวจะรวมลำดับคู่อาร์เอ็นเอที่มาจาก CRISPR RNA (สีเขียวอ่อน) และลำดับอาร์เอ็นเอคัดแยก (tracrRNA) สีเขียวแก่ ซึ่งจับยึดโปรตีน Cas9 ให้มีเสถียรภาพ ส่วนรอยตัดดีเอ็นเอที่สื่อหน้าด้วย Cas9-sgRNA เกิดรอยแยกของคู่สายจะกระตุ้นให้เอนไซม์ผู้ซ่อมทำให้การจัดกระจายหรือซ่อมลำดับดีเอ็นเอที่บริเวณเกิดการตัดออก

From: Science sciencemag.org Published by AAAS, November 28, 2014-Vol 346 Issue 6213, page 1077.



รูปที่ ๒ Jennifer Doudna และ Emmanuelle Charpentier<sup>(๒)</sup> ได้รับรางวัลความสำเร็จจากผลงานการเรียงเรียงตัวแจ้งสนเทศพันธุกรรม โดยกลวิธีานภูมิคุ้มกันสารพันธุกรรม CRISPR-Cas9 ที่พบว่าเอนไซม์ Cas9 สามารถตัดเล็มสิ่งเสียหายในสายดีเอ็นเอขดคู่ออกไปและเรียงเรียงใหม่

From: <http://www.bustle.com/articles/76795-what-is-emmanuelle-charpentier-jennifer-doudnas-gene-editing-technology-crispr-cas9-time-was-right-to-spotlight-it>

### เอกสารอ้างอิง

๑. Ishino Y, Shinakawa H, Makino K, Amemura M, Nakata A. Nucleotide sequence of the *iap* gene, responsible for alkaline phosphatase isozyme conversion in *Escherichia coli*, and identification of the gene product. *J Bacteriol* 1987; 169:5429-33.
๒. Basalto D. These are 3 breakthrough science ideas you'll be talking about in 2015. *The Washington Post* November 11, 2014.
๓. Doudna JA, Charpentier E. The new frontier of genome engineering with CRISPR-Cas9. *Science* 2014; 346(6213):1077-85.

### เอกสารอ่านเพิ่มเติม

๔. Wang T, Wei JJ, Sabatini DM, Lander ES. Genetic screens in human cells using the CRISPR-Cas9 system. *Science* 2014; 343(6166): 80-84.